Auxin regulates SCF^{TIR1}-dependent degradation of AUX/IAA proteins

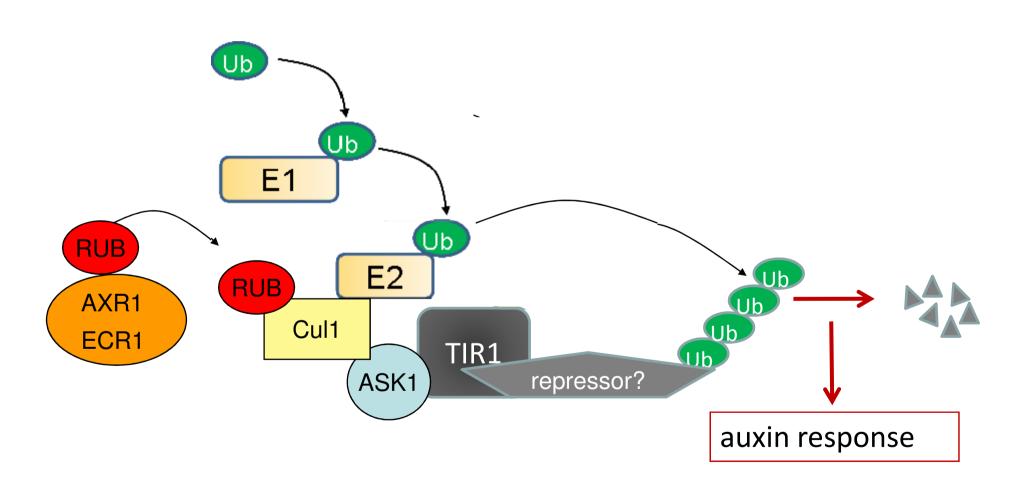
William M. Gray*†, Stefan Kepinski†‡, Dean Rouse‡§, Ottoline Leyser‡ & Mark Estelle*

^{*} The Institute for Cellular and Molecular Biology, The University of Texas at Austin, Austin, Texas 78712, USA

[‡] Department of Biology, University of York, Box 373, York YO10 5YW, UK

[†] These authors contributed equally to the work

Modell von 1999 (Gray et al.)



GUS = β -Glucoronidase

- -spaltet Glycoside → Abbau
- hydrolysiert durch Ammoniumsalz X-Gluc → BLAUFÄRBUNG

Analyse der AUX/IAA-stabilität mit Hilfe von GUS-Fusion

GUS- Fusionsprotein-Modell

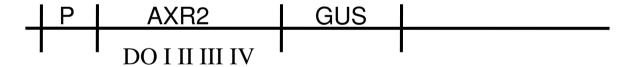
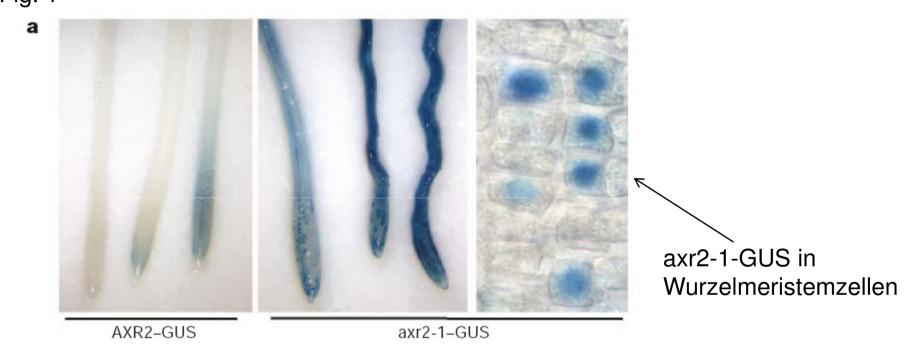


Fig. 1 Analyse der AUX/IAA-stabilität mit Hilfe von GUS-Fusion

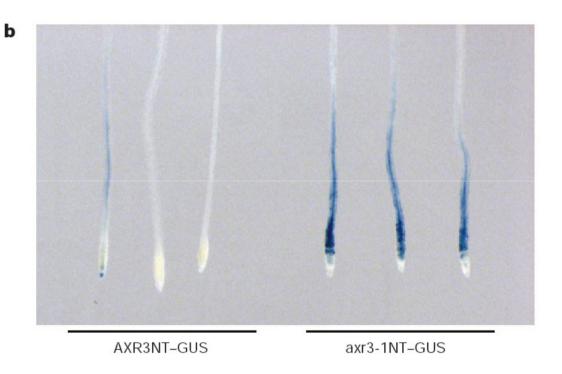


Analyse von AUX/IAA-GUS Fusionskonstrukten

Erweitertes GUS- Fusionsprotein-Modell

Analyse der AUX/IAA-stabilität mit Hilfe von GUS-Fusion

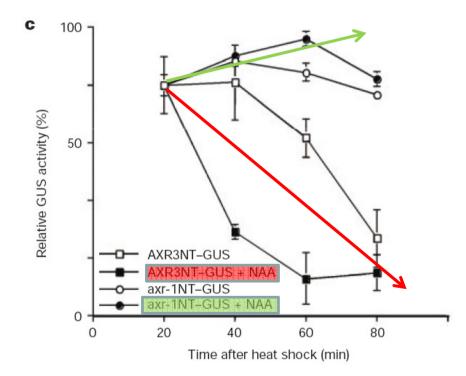




HS für 2h und GUS-Aktivität 60min nach HS

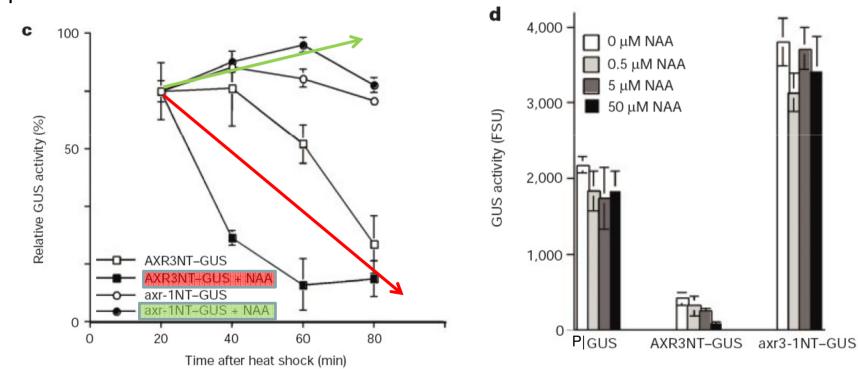
Reguliert Auxin AUX/IAA -Abbau?

Fig. 1



Einfluß der Auxindosis auf die Stabilität?





Ist es möglich das der Ubiquitin-Proteasomen-Weg am AUX/IAA-Abbau beteiligt ist?

Ist es möglich das der Ubiquitin-Proteasomen-Weg am AUX/IAA-Abbau beteiligt ist?

MG132 = Proteasom- Inhibitor

→ Kann MG132 den auxininduzierten Abbau von AXR2-GUS bzw. AXR3NT-GUS verhindern?

Kann MG132 den auxininduzierten Abbau von AXR2-GUS bzw. AXR3NT-GUS verhindern?

Fig. 2 a 35s::AXR2-GUS

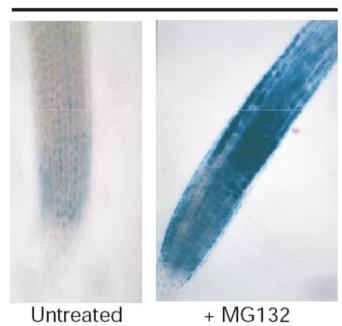


Fig. 2 **b** HS::AXR3NT-GUS

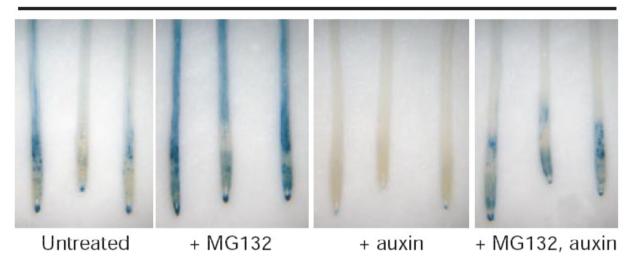
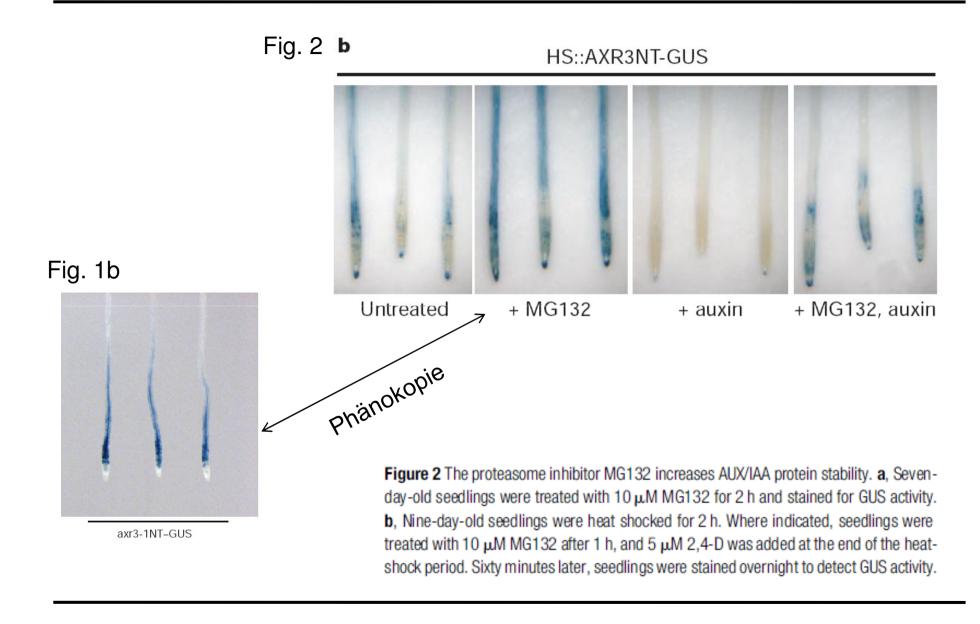
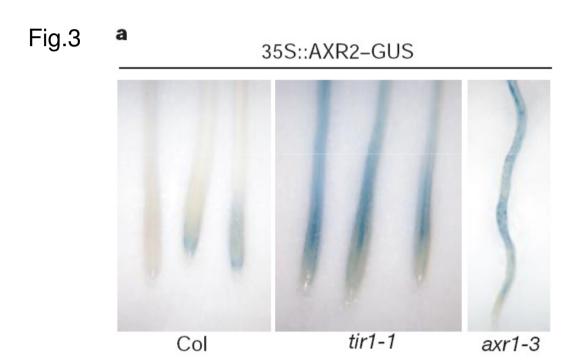


Figure 2 The proteasome inhibitor MG132 increases AUX/IAA protein stability. **a**, Sevenday-old seedlings were treated with $10 \,\mu\text{M}$ MG132 for 2 h and stained for GUS activity. **b**, Nine-day-old seedlings were heat shocked for 2 h. Where indicated, seedlings were treated with $10 \,\mu\text{M}$ MG132 after 1 h, and $5 \,\mu\text{M}$ 2,4-D was added at the end of the heat-shock period. Sixty minutes later, seedlings were stained overnight to detect GUS activity.

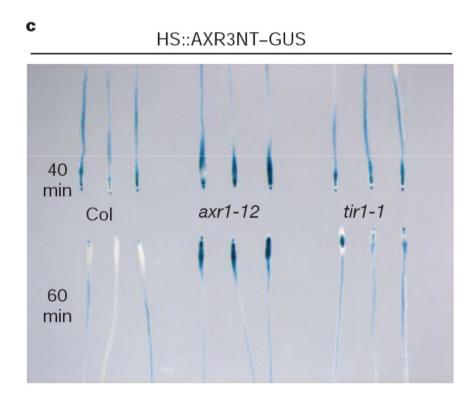


Untersuchung der Effekte von axr1- und tir1-Genmutationen auf die AUX/IAA- Stabilität



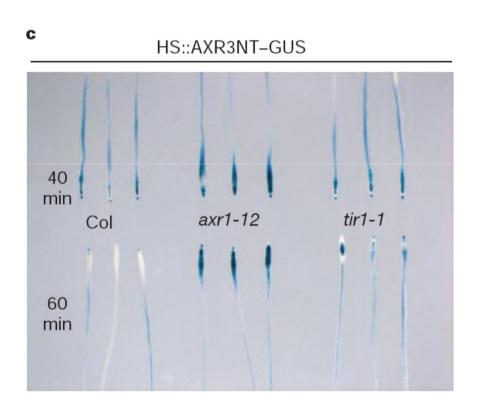
Untersuchung der Effekte von axr1- und tir1-Genmutationen auf die AUX/IAA- Stabilität

Fig.3



Untersuchung der Effekte von axr1- und tir1-Genmutationen auf die AUX/IAA- Stabilität

Fig.3



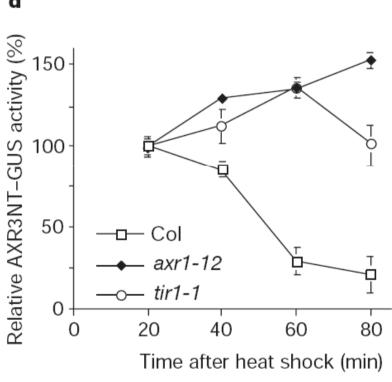
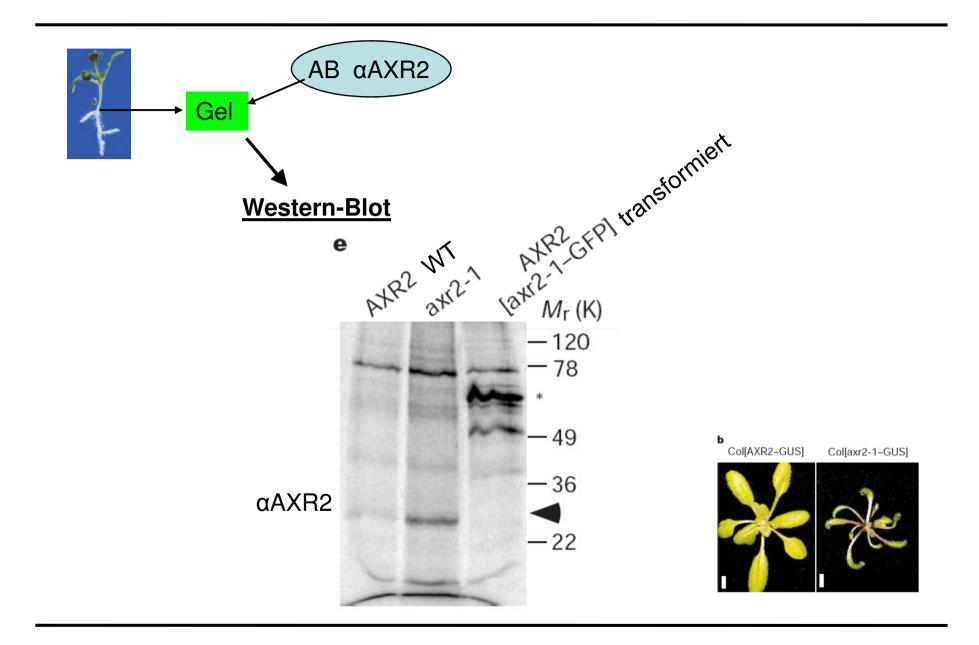
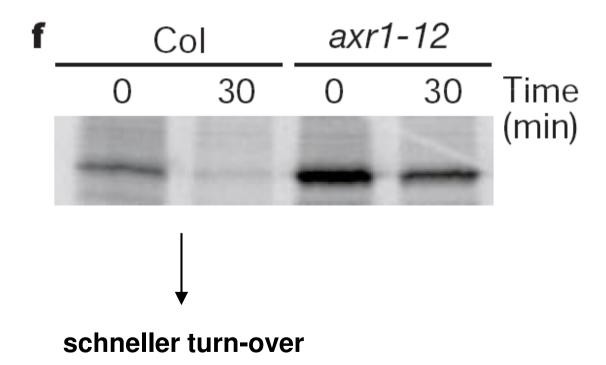


Fig.3 **b**35s Col[AXR2-GUS] tir1-1[AXR2-GUS] Col[axr2-1-GUS] a 35S::AXR2-GUS Fig.1a tir1-1 Col axr2-1-GU

Spiegeln die GUS-Fusionsproteine (AUX/IAA) wirklich die Protein-Stabilität wider?



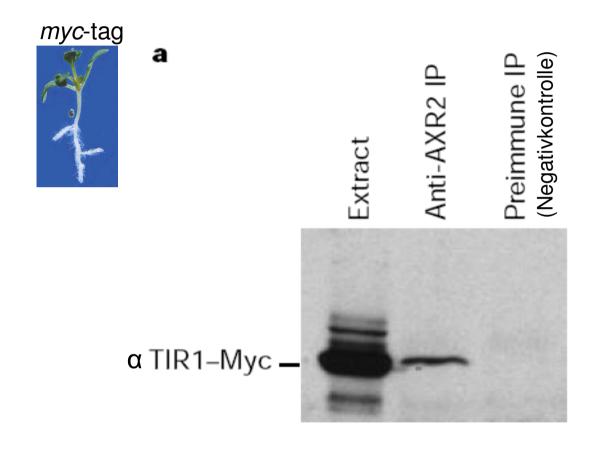
Pulse-Chase-Experiment



Interagiert SCF^{TIR1} physisch mit AUX/IAA-Proteinen?

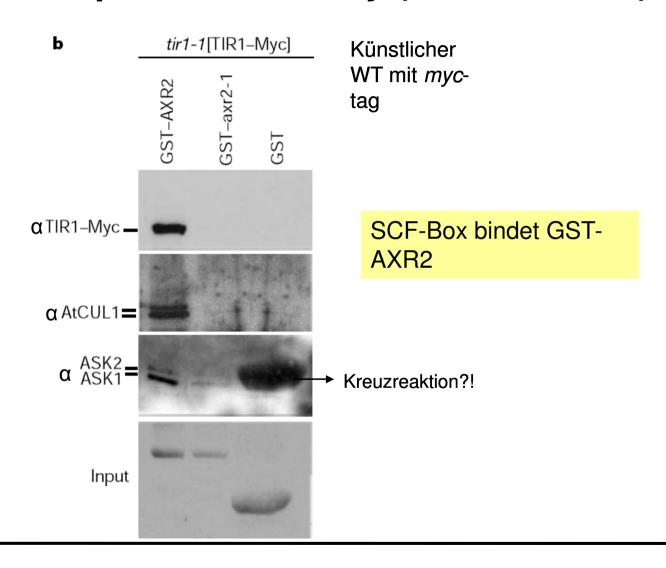
Pulldown

- = Protein-Protein-Interaktionsnachweis
- → Protein mittels AB mitsamt seiner Interaktionspartner präzipitiert
- → Nachweis im Westernblot

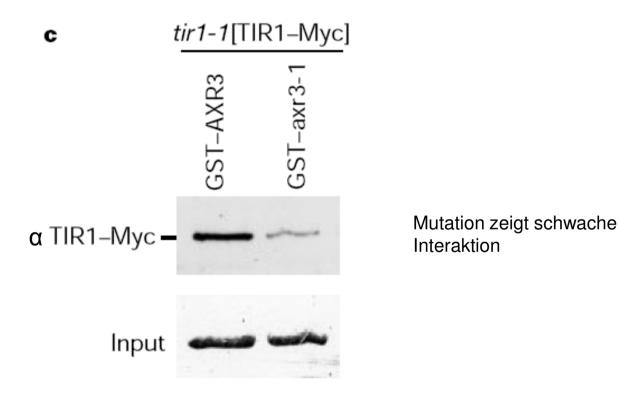


TIR1-MYC in anti-AXR2 Immunopräzipitat

in vitro pull-down assay (Immuno-Blot)



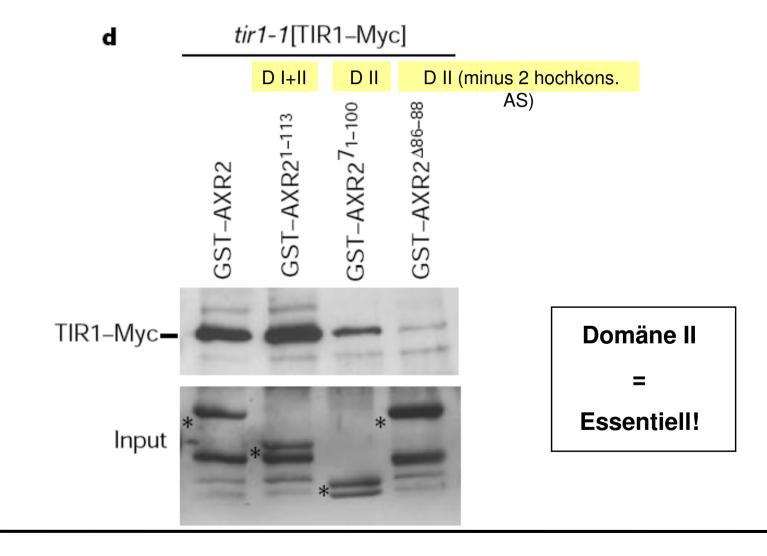
Kontrolle mit anderen "Familienmitgliedern"



gleiches Ergebnis: SCFTIR1 bindet AUX/IAA-Proteine

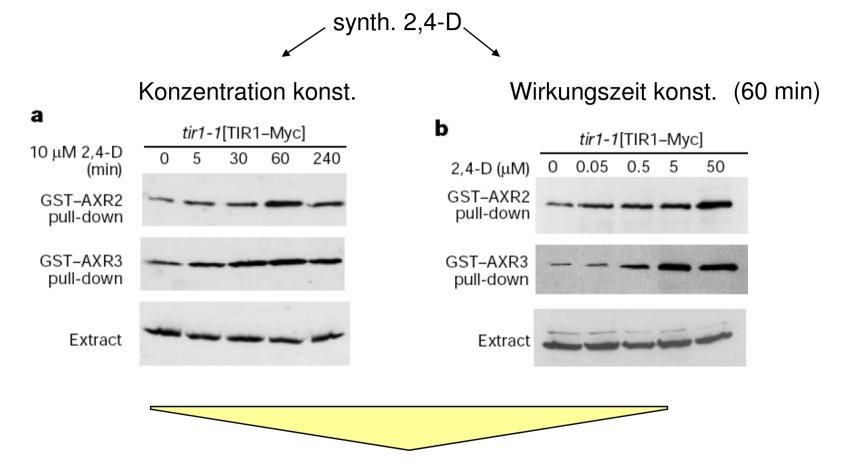
Welche Bedeutung hat Domäne II der AUX/IAA-Proteine?

Domäne II



Wie ist der Einfluss von Auxin einzuschätzen?

Auxin-Einfluss



Auxin fördert F-Box-AUX/IAA-Bindung konzentrations- & zeitabhängig!

Modell von 2001 (Gray et al.)

