

# Fluxograma de análises dados Viroma DNA

**PRINSEQ**  
Visualização dos dados e  
reconhecimento de padrões

01

**TAG Cleaner**  
Remoção das TAGs 5'

**PRINSEQ**  
Remoção de caudas Poli-A 3'

**PRINSEQ**  
Filtrar reads por qualidade  
e tamanho mínimo

**USEARCH**  
-> Busca por similaridade dos reads resultantes  
contra o banco de dados nr NCBI  
-> Panorama de diversidade  
-> Identificar espécies contaminantes.

**DeconSeq**  
Remoção de sequências contaminantes  
via genoma de referência. Por exemplo,  
sequências humanas, bovinas, etc.

**BLAST**  
Identificação taxônômica das  
sequências via blastx e blastn  
contra banco de dados customiza-  
do para vírus

**Montagem**  
Montagem dos contigs para  
obtenção de genomas parciais e  
para análises funcionais

**Interpretação biológica dos resultados**